

En Cuba cinco variantes genéticas y seis mutaciones del SARS-CoV-2



La directora de investigación del Instituto de Medicina Tropical Pedro Kourí, María Guadalupe Guzmán. Foto: Archivo/RHC.

La Habana, 7 abr (RHC) Cinco variantes genéticas y seis patrones mutacionales del SARS-CoV-2, patógeno causante de la Covid-19, circulan en Cuba, informaron autoridades sanitarias.

La directora de investigación del Instituto de Medicina Tropical Pedro Kourí, María Guadalupe Guzmán, afirmó que un estudio poblacional realizado entre el 28 de diciembre de 2020 y 28 de marzo de 2021, identificó presencia de variantes del virus diferentes al grupo G, reportada inicialmente y todavía predominante.

“Se detectaron cuatro cambios y cinco patrones mutacionales en casos importados, mientras que para los autóctonos, comprobamos una disminución en el tiempo de la variante D614G y un incremento paulatino de la notificada en Sudáfrica y California, Estados Unidos”, apuntó la experta.

En intercambio reciente del presidente, Miguel Díaz-Canel, con científicos y especialistas dedicados al enfrentamiento a la Covid-19 en la nación caribeña, Guzmán detalló que las provincias La Habana, Mayabeque y Pinar del Río muestran el mayor número de esas modificaciones del coronavirus.

Puntualizó que ese incremento en la aparición de variantes fue inicialmente mayor en pacientes procedentes del exterior, pero poco a poco llegaron a la población cubana.

“Aunque en nuestro país, la que aún predomina es la del grupo Clado G, otras del SARS-CoV-2, particularmente la identificada en Sudáfrica, muestran una ventaja desde el punto de vista evolutivo, y pudiera llegar a sustituir la primera”, aseveró.

Dijo, además, que algunas se han diseminado más fácil y rápido, lo cual guarda relación con la ocurrencia de más contagiados con la Covid-19 en el país.

“Este podría ser un factor que justifique el incremento en el número de casos, sobre todo en el último mes”, enfatizó.

De acuerdo con la última actualización epidemiológica de la Organización Panamericana de la Salud, en 32 países de las Américas fueron identificadas al menos una de las tres variantes, motivo de preocupación en el continente: la B.1.1.7, reportada por primera vez en Reino Unido; la B.1.351 en Sudáfrica, y la B.1.1.28.1 encontrada en Brasil.

“Todas pueden acrecentar la transmisibilidad y la virulencia del SARS-CoV-2 o disminuir la eficacia de las medidas sociales, de salud pública o de los diagnósticos, las vacunas y los tratamientos, aunque todavía queda mucho por aprender sobre ellas”, refiere el informe de la entidad regional.

Ante la actual situación epidemiológica de Cuba, con más de mil casos diarios reportados en ocho jornadas consecutivas, las autoridades gubernamentales anunciaron para las próximas semanas la implementación de un grupo de medidas dirigidas a controlar el rebrote de la pandemia. (Fuente: Prensa Latina)

<https://www.radiohc.cu/noticias/nacionales/253249-en-cuba-cinco-variantes-geneticas-y-seis-mutaciones-del-sars-cov-2>



Radio Habana Cuba